

TARIFAS PLATAFORMA GENÓMICA 2024

SERVICIO	TARIFA A	TARIFA B	TARIFA C
Lectura Fluorimetría de ácidos nucleicos, por muestra	2,24	2,44	2,93
Síntesis cDNA a partir de RNA Total, 8 muestras	42,16	49,99	59,99
QC_ qPCR Taqman (fijo)	30,24	35,26	42,31
Microarrays Expresión Génica Humano, 8 muestras	1596,72	1734,77	2081,72
Microarrays Expresión Génica Ratón, 8 muestras	1596,64	1734,69	2081,62
Microarrays Expresión Génica Rata, 8 muestras	1596,64	1734,69	2081,62
Microarrays Expresión Génica Pez Cebra, 4 muestras	857,68	946,79	1136,15
Microarrays miRNA Humano, 8 muestras	1671,86	1809,91	2171,89
Microarrays miRNA Ratón, 8 muestras	1669,39	1807,43	2168,92
Microarrays miRNA Rata, 8 muestras	1681,37	1819,42	2183,31
Cariotipado, por muestra	155,91	187,1	224,52
Análisis de fragmentos, por muestra	1,52	3,53	4,24
Secuenciación Sanger, por muestra	4,59	6,19	7,43
Hibridación in situ Fluorescente (FISH), por muestra	109,92	191,16	229,39
Purificación enzimática, por muestra	0,95	2,56	3,07
qPCR expresión génica con SYBR Green o similar (primers no incluidos), placa 384	102,00	131,10	157,33
Secuenciación 16S rRNA bacteriano, por muestra	53,46	57,67	69,21
Secuenciación 16S rRNA bacteriano/ ITS hongos, por muestra	63,25	67,87	81,44
qPCR expresión génica con sondas TaqMan (sonda no incluida), placa 384	172,03	201,14	241,36
qPCR miRNAs (primers no incluidos), placa 384	259,95	289,06	346,87
Síntesis cDNA para miRNAs, 8 muestras	125,16	133,19	159,83
Genotipado TaqMan (sondas no incluidas), placa 384	150,50	179,60	215,52
Secuenciación ITS hongos, por muestra	52,69	56,91	68,29
Real Time PCR (sólo placa 384 y film óptico)	9,87	11,84	14,2
Conversión bisulfito, por muestra	5,61	6,41	7,70
Análisis calidad RNA TS4200, por muestra	3,50	4,11	4,93
Análisis calidad HSRNA TS4200, por muestra	4,03	4,63	5,55
Análisis calidad D1000 TS4200, por muestra	3,21	3,82	4,58



SERVICIO	TARIFA A	TARIFA B	TARIFA C
Análisis calidad HSD1000 TS4200, por muestra	4,46	5,07	6,08
Análisis calidad D5000 TS4200, por muestra	3,25	3,85	4,63
Análisis calidad HSD5000 TS4200, por muestra	4,70	5,30	6,36
Análisis calidad gDNA TS4200, por muestra	4,74	5,34	6,41
Análisis calidad cfDNA TS4200, por muestra	4,42	5,02	6,02
Run NextSeq2000 P1 (100 ciclos)	889,00	982,63	1179,15
Run NextSeq2000 P1 (300 ciclos)	1234,00	1327,63	1593,15
Run NextSeq2000 P1 (600 ciclos)	1876,00	1969,63	2363,55
Run NextSeq2000 P2 (100 ciclos)	1437,00	1530,63	1836,75
Run NextSeq2000 P2 (300 ciclos)	3581,00	3674,63	4409,55
Run NextSeq2000 P2 (600 ciclos)	3899,00	3992,63	4791,15
Run NextSeq2000 P3 (50 ciclos)	2276,00	2369,63	2843,55
Run NextSeq2000 P3 (100 ciclos)	3288,00	3381,63	4057,95
Run NextSeq2000 P3 (200 ciclos)	4552,00	4645,63	5574,75
Run NextSeq2000 P3 (300 ciclos)	6070,00	6163,63	7396,35
Sondas TaqMan (Gene Expression)	181	184,08	184,08
Primers prediseñados para expresión génica con SYBR® Green	24,2	25,71	25,71
Primers prediseñados para miRNA	145,7	148,73	148,73
Secuenciación mRNA Stranded (PE 200) 25 M, por muestra (N10-24)	228,36	240,15	288,18
Secuenciación Exoma Humano (50x), por muestra (N=12)	165,80	180,84	217,01
Secuenciación Exoma Humano (100x), por muestra (N=12)	248,51	263,55	316,27
Secuenciación Total RNA Stranded con Ribo-Zero Plus (PE 200) 50 M, por muestra	278,75	290,54	348,65
Pirosecuenciación (lectura simple), por muestra	6,08	9,43	11,32
Pirosecuenciación (lectura por duplicado), por muestra	11,18	14,94	17,93
QC_qPCR TaqMan (muestra)	3,24	4,25	5,10
Fragmentación 1.5-5 Kb (Covaris S2)	8,80	9,00	10,80
Fragmentación 100-1500 Kb (Covaris S2)	9,52	9,72	11,67
Librería Total RNA Stranded con Ribo-Zero Plus, por muestra	104,47	112,99	135,59
Librería AmpliSeq, 2 pooles por muestra	45,71	52,23	62,67
Secuenciación Ultra-Low Input RNA Stranded (PE 200) 50 M, por muestra	340,59	352,38	422,86
Secuenciación smallRNA (PE 100) 5 M, por muestra	117,22	129,02	154,82



SERVICIO	TARIFA A	TARIFA B	TARIFA C
Secuenciación mRNA Stranded (PE 200) 25 M, por muestra (N>24)	154,31	166,11	199,33
Secuenciación mRNA Stranded (PE 200) 25 M, por muestra (N<9)	306,28	318,08	381,69
Librería mRNA Stranded, por muestra	59,48	68,01	81,61
Librería Ultra-Low Input RNA Stranded, por muestra	165,79	175,32	210,38
Run Chip 530 (Ion Torrent)	1600,00	1665,17	1998,21
Run Chip 540 (Ion Torrent)	1700,00	1765,17	2118,21
Run Chip 550 (Ion Torrent)	2100,00	2165,17	2598,21
Sondas KASP Genotipado	233,00	236,50	283,80
Sondas Taqman Genotipado	367,20	370,70	444,84
Primers pirosecuenciación custom	90,00	101,56	121,88
Primers pirosecuenciación prediseñados	139,60	143,10	171,72
Genotipado KASP (sondas no incluidas), placa 384	125,85	154,95	185,94
Purificaciones extras	7,39	9,40	11,28
PCR Tiempo Real (Lectura de placa)	0,00	5,61	6,73
Otras librerías	consultar	consultar	consultar

